

GENETIKÁNK IS MEGHATÁROZHATJA, HOGY MILYEN LEFOLYÁSA LESZ A KORONAVÍRUS-FERTŐZÉSNEK

Pécs és Szeged közösen kutat

Két hónap alatt harmincnál is több orvos- és élettudományi kutatásba kezdett a Szegedi Tudományegyetem a koronavírus-sal kapcsolatban. Ezek egyike azt vizsgálja, genetikánk befolyásolja-e a betegség lefolyásának súlyosságát.

SZEGED
HAJÓ EDINA

A Szegedi Biológiai Kutatóközponttal, ipari partnerekkel és más magyarországi felsőoktatási intézményekkel közösen indítottak vizsgálatokat és önálló kutatásokba is kezdtek a Szegedi Tudományegyetem kutatói a Covid-19 betegség leküzdése érdekében.

A BETEGSÉG MINDEN SZAKASZÁT KUTATJÁK

A koronavírus európai megjelenése óta foglalkozunk a betegség megelőzésére, szűrésére, diagnosztikájára, terápiájára és rehabilitációjára vonatkozó vizsgálatokkal. Minden területen zajlanak kutatások, legyen szó orvosi, biológiai, módszertani vagy anyagtudományi fejlesztésekről, ezek a betegség minden szakaszára kiterjednek, kezdve a megelőzéstől és a diagnosztikától a korai és intenzív terápiákon át egészen a rehabilitációig



Széll Márta, az SZTE rektorhelyettese vezeti az egyik kutatást. FOTÓ: KUKLIS ISTVÁN

– fogalmazott Rovó László, a Szegedi Tudományegyetem rektora.

SÚLYOS VAGY ENYHE LESZ?

Így indulhatott el az a genetikai projekt, amely azt hivatott vizsgálni, hogy ha már elkaptuk a fertőzést, akkor vannak-e olyan genetikai tényezők, ame-

lyek befolyásolják a betegség lefolyását, kimenetelét.

– Azt szeretnénk megtudni, hogy genetikánk meghatározza-e azt, hogy lehet, észre sem vesszük, hogy elkaptuk a koronavírus, vagy csak enyhe tünetekkel esünk át a fertőzésen, avagy lélegeztetőgépre kerülünk – magyarázta a vizsgálat célját Széll Márta

molekuláris biológus. A Szegedi és a Pécsi Tudományegyetem közös kutatási projektjének, a Covid-19 HUNGEN-nek a vezetője elmondta, hogy Magyarországon a halálesetek nagy részét az idősek vagy krónikus alapbetegségben szenvedők teszik ki, viszont más országokban – ahol magasabb a megbetegedések

aránya – több olyan eset is van, ahol a fiatalabb korosztályhoz tartozók is súlyosan megbetegedtek, úgy, hogy nincs is alapbetegségük.

A POPULÁCIÓ HATÁSA

– Mindezek arra utalnak, hogy vannak olyan genetikai tényezők, amelyek meghatározzák és befolyásolják a betegség lefolyását. Ezer beteg mintáját gyűjtjük majd be közösen, először 200, a koronavírus-fertőzésen már átesett személyen végzünk különböző vizsgálatokat, egyrészt az orr- és nyálkahártyából levett mintából, valamint vérmintákból is – részletezte a szakember. Azt is elmondta, remélik, hogy a magyar népességre jellemző genetikai variánsokat is azonosítani fognak, amelyek meghatározzák a betegség lefolyását. Úgy magyarázta, hogy az immunválaszunkat szabályozó génjeinkben nagyon sok változatot hordozunk, ezért a különböző földrajzi területeken élő népcsoportokban ezek az eltérő génvariációk befolyásolhatják a betegség lefolyását.

A kutatásokba mindkét egyetemen bevonják azokat az orvosokat, akik a betegágy mellett dolgoznak. Az általuk vett mintákat klinikai genetikusok és laboratóriumban dolgozó biológusok, bioinformatikusok szoros együttműködésben elemzik majd ki.